



7. **上柱吸附：**每次吸取10ml 上一步的混合液到吸附柱中（吸附柱放入50ml收集管中），室温10,000 rpm ($\sim 11,500 \times g$)离心10s，倒掉收集管中的废液，将吸附柱重新放回收集管中（分多次将50ml管中的液体全部上柱）。
8. **漂洗：**向吸附柱中加入10ml漂洗液W2（请先检查是否已加入无水乙醇），10,000 rpm ($\sim 11,500 \times g$)离心10s，弃掉收集管中的废液，将吸附柱重新放回收集管中。重复此步骤一次。
9. 将吸附柱重新放回收集管中，12,000 rpm ($\sim 15,000 \times g$)离心5分钟，目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除。
10. 将吸附柱置于干净的50ml离心管中，超净台通风3-5min（无明显乙醇气味）。
11. 向吸附膜的中间部位悬空滴加1-2ml洗脱缓冲液TE，室温放置5分钟，室温12,000 rpm ($\sim 15,000 \times g$)离心2min。将50ml离心管中的洗脱液全部移入一个干净的1.5ml离心管， -20°C 保存。如后续实验对EDTA不敏感，建议加入终浓度1mM的EDTA；或使用TE缓冲液（10mM Tris + 1mM EDTA, PH8.0）洗脱。

注：推荐二次洗脱，通常可以提高20%以上回收效率，即将洗脱下来的液体再次加回同一个吸附柱再次洗脱。

质粒DNA浓度及纯度检测

得到的质粒DNA可用琼脂糖凝胶电泳和紫外分光光度计检测浓度与纯度。OD₂₆₀值为1相当于大约50 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 双链DNA。

纯化的质粒DNA OD₂₆₀/OD₂₈₀通常在1.8~2.0左右，可直接应用于细胞转染甚至动物体内实验等对DNA纯度要求很高的实验中。如果洗脱时不使用洗脱缓冲液，而使用去离子水，比值会偏低，但并不表示纯度低，因为pH值和离子存在会影响光吸收值。



Toll-free:400-611-2007

Order:010-62617225 62979301

Email:zomanbio@126.com

Http://www.zomanbio.com



版本号:2025-08-15

质粒大量提取试剂盒

HighPure Plasmid Kit

目录号: ZP105

试剂盒组成	ZP105-1 5次	ZP105-2 10次	ZP105-3 20次
RNaseA (10 mg/ml)	600 μ l	1.2 ml	2 $\times$ 1.2 ml
平衡液ZBL	15ml	30ml	60ml
溶液K1	60 ml	120 ml	240 ml
溶液K2	60 ml	120 ml	240 ml
溶液K3	80 ml	160 ml	2 $\times$ 160 ml
漂洗液W2	30 ml	2 $\times$ 30 ml	4 $\times$ 30 ml
洗脱缓冲液TE	15 ml	30 ml	30 ml
过滤柱FS	5 个	10 个	20 个
吸附柱-收集管 (50 ml)	5 套	10 套	20 套
说明书	1 份	1 份	1 份

客户自备干净的50ml离心管，做最后一步收集质粒DNA产物用，即做收集管用。注意检查是否和吸附柱配套。

■ 储存条件

本试剂盒在室温（15-25℃）干燥条件下，可保存1年；更长时间的保存可置于2-8℃。2-8℃保存条件下，若溶液产生沉淀，应在使用前置于37℃下溶解沉淀。单独包装的RNaseA 在-20℃可稳定保存1年以上。第一次使用前将RNase A加入溶液K1中，加入RNase A后的溶液K1，可室温稳定保存半年以上（2025年优化产品配方）。

实验室使用，仅用于科研

北京庄盟国际生物基因科技有限公司
Beijing Zoman Biotechnology Co.,Ltd.

■ 产品简介

本试剂盒采用独特的硅胶膜吸附技术，高效专一地结合质粒DNA。同时采用特殊的溶液和过滤器FS，可有效的去除蛋白等杂质；整个提取过程仅1个小时左右，方便快捷。使用本试剂盒提取的质粒DNA可适用于各种常规操作，包括酶切、PCR、测序、连接、转化和转染多种细胞等实验。

推荐每次菌液使用量：高拷贝质粒推荐使用量为100ml，得率一般在0.5mg~1.5mg左右；低拷贝质粒推荐使用量为200ml，得率一般在200~400μg左右。

■ 注意事项：请务必在使用本试剂盒之前阅读此注意事项。

1. 溶液k1在使用前先加入RNase A（**将试剂盒中提供的RNase A全部加入**），混匀，置于2-8℃保存。
2. 第一次使用前应按照试剂瓶标签的说明先在漂洗液W2中加入无水乙醇。
3. 使用前先检查溶液K2和溶液K3是否出现结晶或者沉淀，如有结晶或者沉淀现象，可在37℃水浴中加热几分钟，即可恢复澄清。
4. 注意不要直接接触平衡液ZBL、溶液k2和溶液K3，溶液使用后应立即盖紧盖子。
5. 使用过滤柱时请将推柄小心缓慢地从过滤管中抽出，避免滤膜因压力而松动。
6. 提取的质粒量与细菌培养浓度、质粒拷贝数等因素有关。如果所提质粒为低拷贝质粒或大于10kb的大质粒，应加大菌体使用量，同时按比例增加溶液k1、k2、K3的用量；洗脱缓冲液推荐在65~70℃水浴中预热。**可以适当延长吸附和洗脱时间，以提高提取效率。**

■ 操作步骤

1. **柱平衡处理**: 向吸附柱中加入2ml平衡液ZBL, 12,000rpm($\sim 13,400 \times g$)离心1min, 倒掉收集管中废液, 将吸附柱重新放回收集管中。(处理过的柱子尽量在1小时内使用, 如果处理时间过长可再次加平衡液ZBL处理)

注: 1、此步骤也可在第5步并行操作离心, 即提取液加入吸附柱前平衡柱子即可。

2、柱平衡可充分激活硅基质膜, 提高得率; 平衡好的吸附柱放置时间超过1小时, 效果将有所下降, 建议再次处理后使用, 但不建议处理2次以上。

2. **收集菌体**: 取菌液50-200ml, 加入离心管中, 12,000 rpm ($\sim 15,000 \times g$) 离心1min, 收集沉淀, 或者其他转速条件收集亦可。(菌液体积大于离心管, 可以多次离心收集)。

3. **重悬菌体**: 向留有菌体沉淀的离心管中加入10ml溶液K1 (请先检查是否已加入RNaseA), 使用移液器或涡旋振荡器彻底悬浮细菌沉淀。(建议彻底悬浮的菌体最好收集在50ml离心管中, 以便后续12,000 rpm离心。)

注意: 如果有未彻底混匀的菌块, 会影响裂解, 导致提取量和纯度偏低

4. **裂解菌体**: 向离心管中加入10ml溶液K2, 温和地上下翻转3—5次, 室温静置1-2min 使菌体充分裂解。

注意: 温和地混合, 不要剧震荡, 以免造成所得产物有基因组DNA污染。菌液应变得均一粘稠表明已充分裂解; 如果未变得均一, 可能由于菌体过多, 裂解不彻底, 应适当减少菌体量。

5. **沉淀除杂**: 向离心管中加入14ml溶液K3, 立即温和地上下翻转3-5次, 充分混匀, 即出现白色絮状沉淀, 且沉淀颗粒不大于5mm, 如颗粒大可逐渐增加摇振力度。12,000 rpm ($\sim 15,000 \times g$) 室温离心1-2min (离心机温度可调节在20℃以上, 不可以低温), 此时在离心管底部形成沉淀。

注意: a、溶液K3加入后应立即混合, 避免产生局部沉淀。

b、低温离心时, 可能会出现乳白上清, 可37℃温浴2-3min后重新常温离心沉淀。

6. **过滤除杂**: 将溶液全部倒入过滤柱FS中, 慢慢推动推柄过滤, 滤液收集在干净的带刻度50ml的管中, 以便方便计量体积。向滤液中加入0.2倍体积的异丙醇, 上下颠倒混匀。